

# 第13回シグナル伝達医学グローバルCOE学術講演会

盛夏の候、先生におかれましては益々ご清祥のこととお喜び申し上げます。  
さて、下記先生をお招きし、講演会を開催させていただきます。  
皆様ぜひご参加ください。

## 「大量ゲノム情報に基づく微生物の比較ゲノミクス」

自然科学研究機構基礎生物学研究所

内山郁夫 先生

日時：平成21年8月4日（火）18:00～

場所：医学部附属病院 第一病棟 2F  
共通カンファレンス室

### 【要旨】

大量のゲノム配列が蓄積し、これらを用いて微生物の多様性を様々レベルで詳細に調べることが可能になってきた。我々はこれまでに、多数のゲノム間でオーソログの対応付けを効率よく行う方法を開発し、これに基づいて、微生物ゲノムを比較するためのデータベース MBGD の構築を行ってきた。しかし、具体的な比較ゲノム研究を進めるには、プロジェクト固有の研究戦略に基づいた、より詳細な解析が必要になる。そこで近年、MBGDで構築されたオーソログテーブルを活用して、より詳細な解析を行うための比較ゲノムワークベンチ RECOG を開発し、近縁ゲノム比較やメタゲノム解析などの比較ゲノム研究への適用を目指した研究開発を進めている。これらの我々の取り組みについて紹介する。

担当：消化器内科学分野 吉田 優（内：2579）

連絡先：神戸大学プログラム

「次世代シグナル伝達医学の教育研究国際拠点」

シグナル伝達医学グローバルCOE事務局

TEL：078-382-5200 E-mail:gcoestm@med.kobe-u.ac.jp